



**PLEC DE PRESCRIPCIONS TÈCNIQUES DEL CONTRACTE DE SUBMINISTRAMENT I INSTAL·LACIÓ D'UN EQUIP DE SEQÜENCIACIÓ MASSIVA DESTINAT A LA UNITAT CIENTIFICOTÈCNICA DE SUPORT (UCTS) DE LA FUNDACIÓ HOSPITAL UNIVERSITARI VALL HEBRON- INSTITUT DE RECERCA A ADJUDICAR MITJANÇANT PROCEDIMENT OBERT**

**2011-025- EQ. SEQÜENCIACIÓ**

Aquest Plec contempla el subministrament i instal·lació d'un equip de seqüenciació massiva destinat a la Unitat Científicotècnica de Suport (UCTS) de la Fundació Hospital Universitari Vall Hebron- Institut de Recerca.

El pressupost total màxim de licitació és de "SETANTA MIL EUROS" (70.000,00- €), IVA NO INCLÒS.

**DESCRIPCIÓ: Equip de Seqüenciació massiva**  
**UNITATS A SUBMINISTRAR: 1**

**CARACTERÍSTIQUES TÈCNIQUES DE L'EQUIP DE SEQÜENCIACIÓ:**

Es requereix un equip de seqüenciació massiva que compleixi exactament amb tots i cadascun dels requisits següents:

- 1) Que permeti seqüenciar en una única carrera ("run") i utilitzant un sol instrument més de 70.000 seqüències d'alta qualitat, amb una longitud modal de 500 pb. Aquesta longitud de seqüència ha de permetre establir fases (haplotips) de més de 400 pb en seqüències individuals.
- 2) L'exactitud de seqüència en un sol pas de seqüenciació ha de ser superior al 99% en la base 400 i superior en les precedents.
- 3) El temps de funcionament per aconseguir seqüències de més de 400 parells de bases no ha de superar les 12 hores.
- 4) Ha de permetre sequenciar genotecas "paired-end" de 3, 8 i 20 kb, obtenint 150 bases de mitjana en cada extrem.
- 5) L'equip ha d'incloure un complex sistema de software que permeti:
  - a. Sequenciar "de novo" genomes i transcriptomes. El Software també ha de permetre acoblar "de novo" les seqüències obtingudes pel sistema en genomes de fins a 3 gigabases, que permetrà la introducció de seqüències "paired-end" per a orientar contigs en scaffolds.



- b. El software també ha de permetre analitzar directament amplicons, identificant i quantificant les variants trobades, inclús en freqüències <1%.

Les seqüències obtingudes han de permetre estudiar l'associació de substitucions nucleotídiques en la mateixa molècula en un rang d'1 a 400 nucleòtids de distància sense necessitat de solapaments.

**LLOC D'ENTREGA:** Unitat Cientifictècnica de Suporst (UCTS) de la Fundació Hospital Universitari Vall Hebron–Institut de Recerca.

**TERMINI D'ENTREGA:** El termini màxim d'entrega, serà d'1 setmana a comptar a partir del dia següent a la notificació de l'adjudicació del subministrament.

**ASPECTES A VALORAR COM A MILLORES, en relació als criteris subjectius d'adjudicació establerts a la clàusula 10<sup>a</sup> dels Plecs de Clàusules administratives.**

- Oferir un manteniment anual de l'equip durant el temps que duri la garantia.
- Es valorarà una ampliació de garantia per a l'equip de seqüenciació massiva, partint de la base, que aquest tindrà una garantia mínima de dos (2) anys

Barcelona, 25 d'octubre de 2011.